

## Fossés

### Informations démographiques

Période de naissance des femelles 2018 -2021  
Femelles Mâles d'IA\*

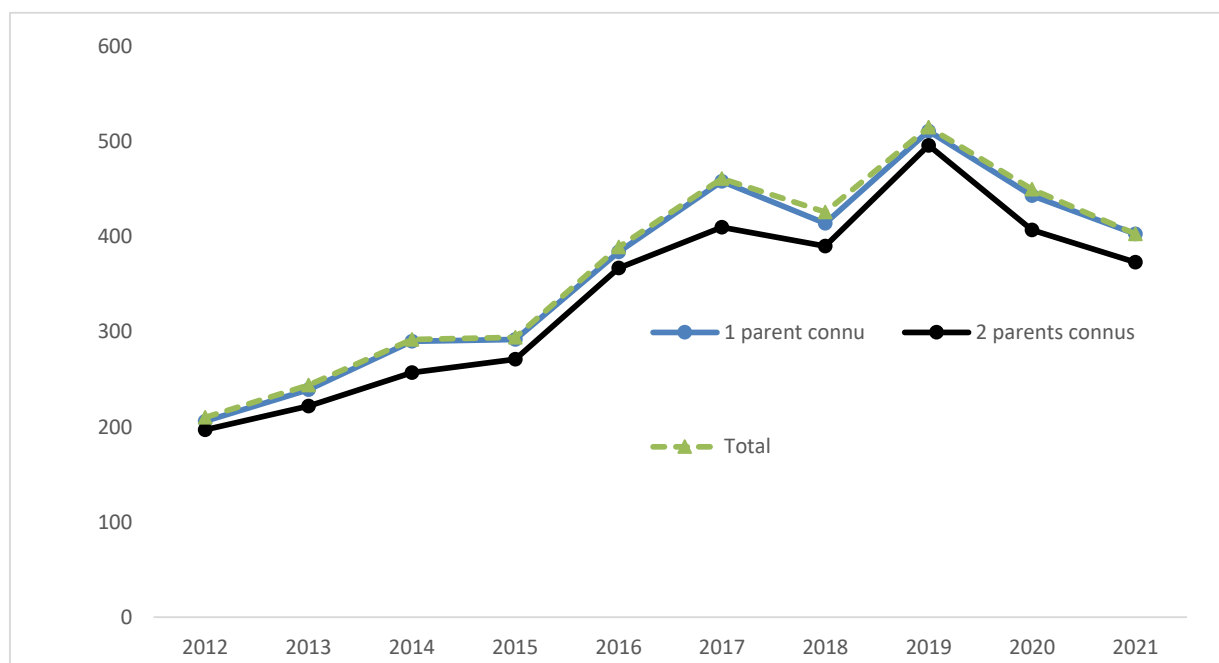
Nb d'animaux (au moins un parent connu)	1 794	3
Nb pères différents	224	3
Nb max de descendants par père	74	1
Nb grands-pères paternels différents	129	2
Nb max de descendants par GPP	126	1
Nb mères différentes	988	3
Nb max de descendants par mère	7	1
Nb grands-pères maternels différents	233	2
Nb max de descendants par GPM	60	1
Nb d'animaux avec deux parents connus	1 666	3

\* père des femelles

Rapport 2 parents connus/total des femelles 93%

% femelles issues IA 3

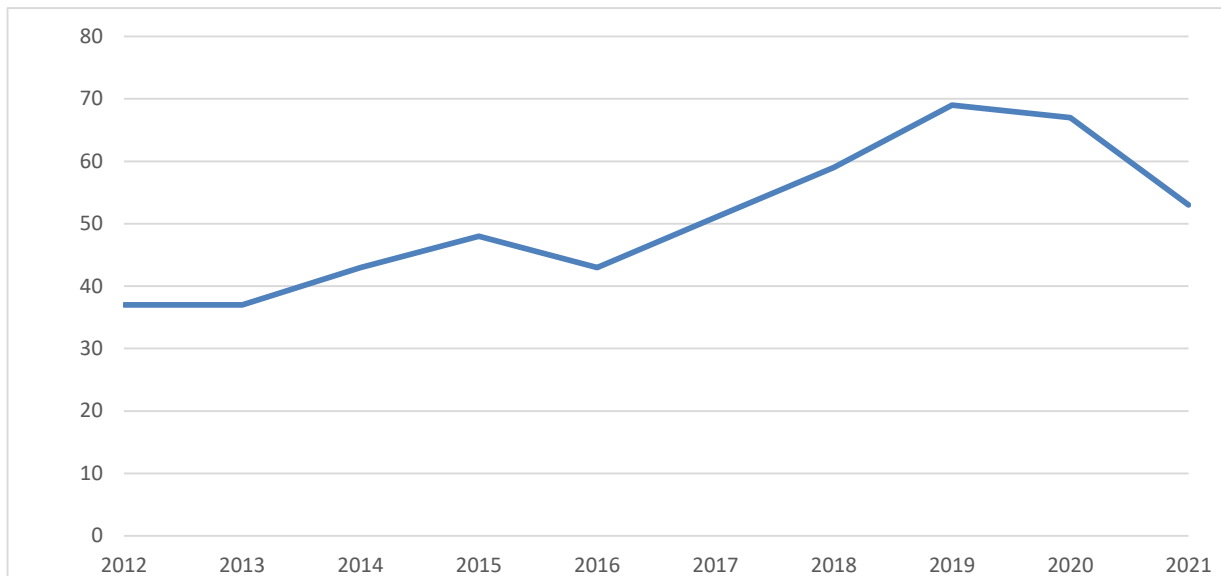
### Evolution de la population femelle



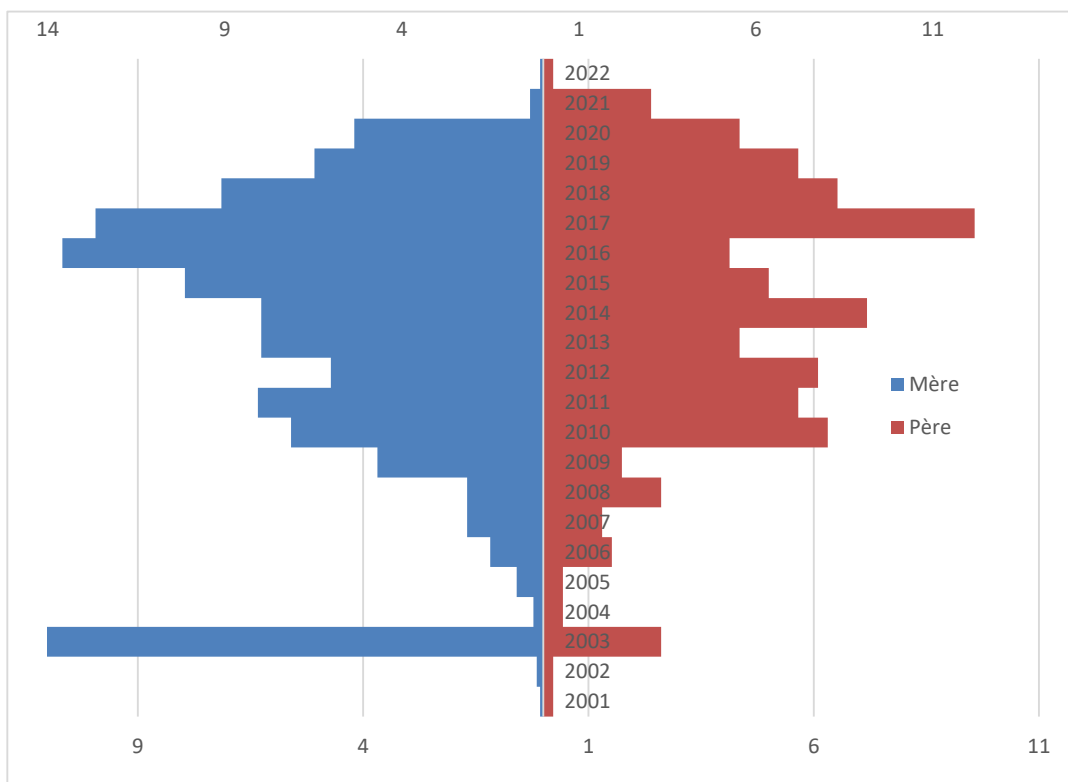
Croissance démographique ● 58

(évolution du nb de femelles nées pour deux périodes consécutives de 5 ans)

## Evolution du nombre de naisseurs



## Pyramide des âges de la population active femelle (%)



## Intervalle de générations des animaux reproducteurs

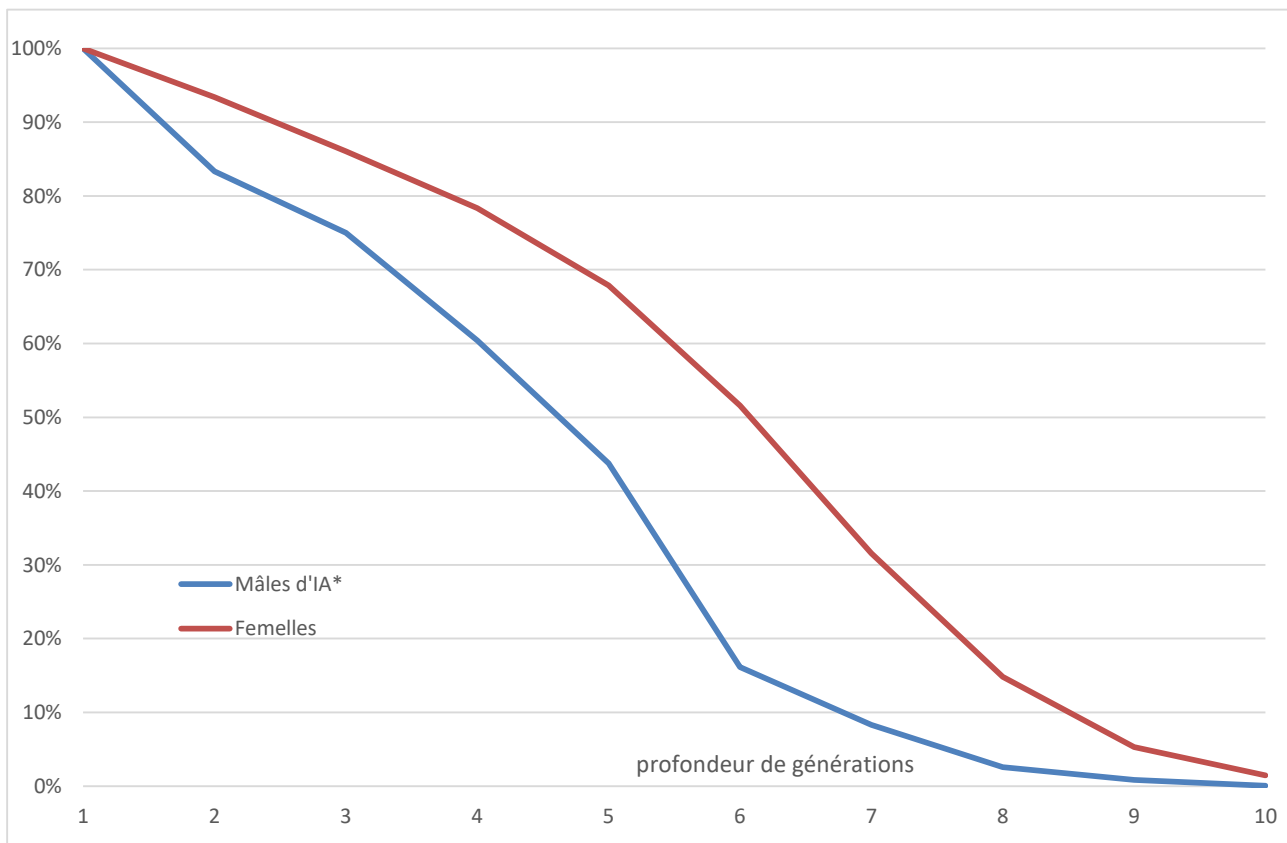
Intervalle de génération voie Mâle/Mâle	3,6
Intervalle de génération voie Mâle/Femelle	3,6
Intervalle de génération voie Femelle/Mâle	3,5
Intervalle de génération voie Femelle/Femelle	3,9
Moyenne 4 voies	3,7

## Qualité des généalogies des populations analysées

	Femelles	Mâles d'IA*
Nb d'animaux dans la population analysée	1 666	3
Nb moyen de générations remontées	5,3	3,9
Nb moyen d'ancêtres connus	209	68
Nb maximum de générations remontées	15	10

\* père des femelles

### Evolution du pourcentage d'ancêtres connus par génération pour les populations analysées



## Critères issus de la probabilité d'origine des gènes

Femelles Période 2018 -2021

Nombre de fondateurs	384
Nombre de fondateurs efficaces (Fe)	55
Nombre d'ancêtres efficaces (Ae)	38
Ratio Ae/Fe	69,4%
Contribution marginale de l'ancêtre principal	8,8%
Nombre d'ancêtres expliquant 50% des gènes	14

### Détail des ancêtres les plus importants de la population analysée femelle

Rang	N° animal	Nom	Sexe	Année de naissance	Contribution brute	Contribution marginale	Contribution cumulée
1	35238121910521	AUBEPINE	F	1991	8,8%	8,8%	8,8%
2	40772740040	JAO de Kérourin	M	2014	5,6%	5,6%	14,4%
3	22350001050001	ACHILLE des Houx	M	2005	4,8%	4,8%	19,1%
4	50242003880010	JOBourg M	M	1988	4,4%	4,4%	23,5%
5	61010029020005	POLUX DE LA HAGUE	M	1999	4,3%	4,3%	27,8%
6	35238121910038	CORNELIUS	M	1993	4,1%	4,1%	31,9%
7	27678075010039	SOLEIL des ventes	M	2001	3,9%	3,9%	35,8%
8	50242003960001	MARSIAS	M	1996	4,0%	3,1%	38,9%
9	27678075020047	TALUS des ventes	M	2002	3,8%	2,4%	41,3%
10	35238121980009	OLGA de la Bintinais	F	1998	1,9%	1,9%	43,2%

En rouge: animaux dont la contribution marginale est inférieure à la contribution brute:

cela signifie que ces animaux sont apparentés aux ancêtres qui les précèdent.

Une contribution en vert apparaît pour l'animal à partir duquel la contribution cumulée atteint 50 %.

## Probabilité d'identité des gènes

Nombre de générations connues	5,3
Consanguinité moyenne (%)	4,6
Consanguinité sur 3 générations (%)	2,10
Parenté (%)	2,6
Consanguinité des parents (%)	3,7
Parentés des parents (%)	2,0
Taille efficace (méthode Cervantès)	104
Taille efficace (méthode démographique)	730

La consanguinité apparait en vert si elle est inférieure à la parenté des parents.  
La parenté des parents est égale à la consanguinité du produit. Si la consanguinité moyenne des produits est inférieure à celle des parents, cela signifie qu'une gestion de la population a été mise en place pour limiter l'accroissement de la consanguinité.

### Répartition de la consanguinité

(% de la population entre 2 seuils)

0% de consanguinité	19,8%
entre 0 à 3,125% inclus	43,0%
entre 3,125% à 6,25% inclus	14,4%
entre 6,25% à 12,5% inclus	10,9%
entre 12,5% à 25% inclus	8,6%
plus de 25%	3,3%

% d'animaux ayant plus de 6,25 % de consanguinité

22,8%

### Evolution de la consanguinité et du niveau d'information généalogique (Ngen)

Accroissement de la consanguinité sur dix ans

-1,06

